

ASTERICS

Update auf Version 4.0.4

Liebe ASTERICS-Nutzer,

mit der neuen Version werden einige Bugs behoben, die uns in den letzten Monaten angezeigt wurden. Dies sind:

(1) Modul Saprobie

Lokalisierung:

- Programmteil „Perlodes für HMWB“
- Tabellenblatt „Ökologische Zustandsklasse“
- Ausgabe der Qualitätsklasse

Fehlerbeschreibung: Version 4.0.3 gibt in den **Vergleichsergebnissen** für NWB eine falsche Qualitätsklasse aus. Dies betrifft das Software-Fenster wie auch alle Exporte. Darüber hinaus wird im csv-Export ein falscher Saprobienindex angegeben (ebenfalls in den Vergleichsergebnissen für NWB).

(2a) Modul Allgemeine Degradation → Ankerpunkte

Lokalisierung:

- Programmteil „Perlodes für HMWB“
- Gewässertypen 2.1, 2.2, 3.1 und 3.2 mit Nutzung BmV
- Core Metric EPT[%]

Fehlerbeschreibung: Aufgrund fehlerhafter unterer Ankerpunkte (40,0 statt 4,0) wird bei den oben genannten Fallgruppen der Score der EPT-Taxa deutlich zu schlecht berechnet. Dies schlägt sich auch im Modulergebnis nieder. Die Abweichung kann bis zu 0,1 Einheiten (gleich einer halben Qualitätsklasse) ausmachen. Die betroffenen Bundesländer wurden über den Fehler bereits frühzeitig in Kenntnis gesetzt.

(2b) Modul Allgemeine Degradation → PTI

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HWMB)
- Gewässertypen 10 und 20
- Core Metric PTI (Berechnung nach „spot samples“)
- gefilterte Liste

Fehlerbeschreibung: Im Programmablauf kommt es bei der chronologischen Abarbeitung von Taxafilterung und Spotverrechnung in manchen Fällen zu Fehlern, die im Extremfall dazu führen, dass mit ungefilterten Listen gerechnet wird. Konkrete Auswirkungen sind:

- Abweichungen bei der Berechnung des PTI (Größenordnung: keine bis niedriger Dezimalstellenbereich = etwa 0,07 PTI-Einheiten im Mittel)
- Angabe einer zu niedrigen Anzahl eingestufte Taxa (number of scored taxa)

(3a) csv-Export → überflüssige Werte

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HWMB)
- Gewässertypen 10 und 20
- Exportdatei metrics2.csv

Fehlerbeschreibung: Beim Ergebnisexport in den Datentyp csv werden Ergebnisse an eine Stelle geschrieben, die dort keinen Sinn ergeben. Der Fehler tritt auf in den Ergebnisteilen der Typen 10 und 20 (Zeilencode 3400 bzw. 1003400), jedoch nur, wenn parallel weitere Messstellen berechnet wurden. Die Ergebnisse der anderen Typen werden korrekt angegeben. Die Berechnung einzelner Messstellen erfolgt grundsätzlich fehlerfrei. Automatische Ausleseroutinen, die die Ergebnisse in nutzereigene Datenbankformate überführen, dürften von dem Fehler nicht betroffen sein, da die Angaben an Positionen auftauchen, die normalerweise nicht bedient werden.

Ein weiterer Fehler betrifft die Ausgabe des Wertes 0 (Zeilencode 99200). Auch dieser Wert ist unnötig, da der PTI im Falle von NWB direkt in eine Qualitätsklasse überführt wird (und nicht über den Umweg eines Scores).

(3b) csv-Export → fehlender Hinweis

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HWMB)
- Gewässertypen 10 und 20
- Exportdatei metrics2.csv

Fehlerbeschreibung: Der Hinweis „high share of alien species“ fehlt im Export. Stattdessen wird eine Codezeile ohne Inhalt exportiert (siehe Abbildung).

Zur Codierung der Hinweise siehe auch Abschnitt (4).

```
"2","155601B","AD","99201","share of alien species [%] (mixed sample)","Zusatzinformation","62.992","",""  
"2","155601B","AD","0","(mixed sample)","Hinweise","","",""
```

(3c) csv-Export → fehlendes Qualitätskriterium

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HWMB)
- Gewässertypen 10 und 20
- Exportdatei metrics2.csv

Fehlerbeschreibung: Die Angabe „Result of the Potamon Typie Index is ... reliable (not reliable)“ (Code 99103 für NWB bzw. 1099103 für HMWB) fehlt im Export. Mit Programmversion 4.0.4 wird der Fehler behoben.

(3d) csv-Export → Faunaindex

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HMWB)
- Faunaindex (alle Typen)
- Exportdatei metrics2.csv

Fehlerbeschreibung: In einzelnen Fällen wird das Ergebnis des Faunaindex nicht korrekt ausgegeben. Stattdessen erscheint in der Ergebniszeile der Eintrag „Nicht berechnet“, obwohl ein Ergebnis vorliegt. Der Fehler tritt auf, sobald das Ergebnis des Faunaindex genau -1,00 beträgt.

(3e) csv-Export → zusätzliche Informationen

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HMWB)
- alle Gewässertypen
- Exportdatei metrics2.csv

Fehlerbeschreibung: Im csv-Export fehlt eine Reihe wichtiger Informationen, was mit der neuen Version 4.0.4 behoben wird.

a) übergeordnete Angaben (1x pro Exportdatei)

- Versionsnummer der Software
- Verfahren (HMWB oder NWB)

b) Messstellen-spezifische Angaben

- Fließgewässertyp
- Nutzung (nur bei Perlodes für HMWB)
- Behandlung der Taxaliste (gefiltert oder original)
- PTI-Berechnung (mixed samples oder spot samples / nur bei Typen 10 und 20)

Die Codierung der neuen Informationen sieht wie folgt aus:

```
ID_Probenahme,Probenahme,Modul,ID_Metric,Metric,Metrictyp,Ergebnis,Score_0_1,Qualitaetsklasse
"0",,,,,,"Versionsnummer",,,,,,"4.0.4",,,,,
"0",,,,,,"Verfahren",,,,,,"HMWB",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"Fließgewässertyp",,,,,,"Typ 10",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"Feldmethode",,,,,,"spot samples",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"Nutzung",,,,,,"Schifffahrt auf frei fließenden Gewässern",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"Taxaliste",,,,,,"gefiltert",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"1000100",,"Abundance [ind/m²]",,,,,,"1212.8",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"1000200",,"Number of Taxa",,,,,,"37",,,,,
"1","155601A","ME (HMWB)",,,,,,"1000300",,"Saprobic Index (Zelinka & Marvan)",,,,,,"1.947",,,,,
```

Alle übergeordneten Informationen sind unter der neutralen Probenahme-ID „0“ abgelegt; Überschriften stehen im Feld „Metric“, Inhalte im Feld „Ergebnis“. Messstellen-spezifische Angabe werden unter der jeweiligen Probenahme-ID aufgeführt.

(4) Ergebnisexport → Codierung der Hinweise

Lokalisierung:

- beide Programmteile (NWB + HWMB)
- Exportdateien .csv und .mdb

Fehlerbeschreibung: Die Hinweise „*low indicator taxa number*“ und „*high share of alien species*“ werden über dieselbe Zahl codiert (99202). Ein separates Auslesen war somit bislang nicht möglich. Mit der Version 4.0.4 erhalten die beiden Hinweise eigene Codes:

- „*high share of alien species*“ = Code 99202 (NWB) bzw. 1099202 (HMWB)
- „*low indicator taxa number*“ = Code 99203 (NWB) bzw. 1099203 (HMWB)